

- |                         |   |
|-------------------------|---|
| 1. Record Nr.           | UNISOBE600200057141   |
| Autore                  | Longano, Francesco  |
| Titolo                  | Viaggio per lo contado di Molise nell'ottobre : ovvero descrizione fisica, economica, e politica del medesimo / Francesco Longano   |
| Pubbl/distr/stampa      | Riccia, : Associazione Culturale P. Vignola, 1988   |
| Edizione                | [Ristampa anastatica dell'ed. Napoli, 1788]   |
| Descrizione fisica      | 139 p. : ill. ; 19 cm   |
| Collana                 | Collana di studi e testi molisani ; 2   |
| Lingua di pubblicazione | Italiano  |
| Formato                 | Materiale a stampa  |
| Livello bibliografico   | Monografia  |
| 2. Record Nr.           | UNISA996466330103316  |
| Titolo                  | Comparative Genomics [[electronic resource] ] : 16th International Conference, RECOMB-CG 2018, Magog-Orford, QC, Canada, October 9-12, 2018, Proceedings // edited by Mathieu Blanchette, Aïda Ouangraoua |
| Pubbl/distr/stampa      | Cham : , : Springer International Publishing : , : Imprint : Springer, , 2018   |
| ISBN                    | 3-030-00834-7   |
| Edizione                | [1st ed. 2018.]   |
| Descrizione fisica      | 1 online resource (X, 325 p. 82 illus.)   |
| Collana                 | Lecture Notes in Bioinformatics ; ; 11183   |
| Disciplina              | 572.86  |
| Soggetti                | Bioinformatics<br>Computational Biology/Bioinformatics  |
| Lingua di pubblicazione | Inglese   |
| Formato                 | Materiale a stampa  |
| Livello bibliografico   | Monografia  |
| Note generali           | Includes index.   |
| Nota di contenuto       | Genome rearrangements -- Genome sequencing -- Applied comparative genomics -- Reconciliation and coalescence --   |

Phylogenetics. .

---

Sommario/riassunto

This book constitutes the proceedings of the 16th International Conference on Comparative Genomics, RECOMB-CG 2018, held in Magog-Orford, QC, Canada, in October 2018. The 18 full papers presented were carefully reviewed and selected from 29 submissions. The papers cover topics such as: genome rearrangements; genome sequencing; applied comparative genomics; reconciliation and coalescence; and phylogenetics.

---