

1. Record Nr.	UNINA990004093060403321
Autore	Seghers, Anna <1900-1983>
Titolo	Transit : Roman / Anna Seghers
Pubbl/distr/stampa	Darmstadt : Luchterhand, 1988
ISBN	3-630-61263-6
Edizione	[14. Aufl.]
Descrizione fisica	332 p. ; 18 cm
Collana	Sammlung Luchterhand ; 263
Disciplina	833.91
Locazione	FLFBC
Collocazione	833.91 SEGH 6(1)
Lingua di pubblicazione	Tedesco
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia

2.	Record Nr.	UNISALENTO991000123819707536
	Autore	Ciliberto, Michele
	Titolo	La ruota del tempo. Interpretazione di Giordano Bruno / Michele Ciliberto
	Pubbl/distr/stampa	Roma : Editori Riuniti, c1992
	ISBN	8835935563
	Descrizione fisica	245 p. ; 22 cm.
	Collana	I Testi
	Soggetti	TEMPO
	Lingua di pubblicazione	Italiano
	Formato	Materiale a stampa
	Livello bibliografico	Monografia
3.	Record Nr.	UNISALENTO991002703169707536
	Autore	Mocciaro, Antonia G.
	Titolo	L'Europa linguistica : contatti, contrasti, affinità di lingue : atti deL 21. Congresso Internazionale di Studi : Catania, 10-12 settembre, 1987 / a cura di Antonia G. Mocciaro e Giulio Soravia
	Pubbl/distr/stampa	Roma : M. Bulzoni, 1992
	ISBN	8871194154
	Descrizione fisica	320 p. ; 21 cm.
	Collana	Società di linguistica italiana ; 30
	Altri autori (Persone)	Soravia, Giulio
	Soggetti	Catania Congressi - Lingue 1987
	Lingua di pubblicazione	Italiano
	Formato	Materiale a stampa
	Livello bibliografico	Monografia

4. Record Nr.	UNINA9910557363803321
Autore	Loskutov Igor G
Titolo	Advances in Cereal Crops Breeding
Pubbl/distr/stampa	Basel, Switzerland, : MDPI - Multidisciplinary Digital Publishing Institute, 2021
Descrizione fisica	1 online resource (196 p.)
Soggetti	Research & information: general
Lingua di pubblicazione	Inglese
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia
Sommario/riassunto	This Special Issue on 'Advances in Cereal Crops Breeding' comprises 10 papers covering a wide range of subjects, including the expression-level investigation of genes in terms of salinity stress adaptations and their relationships with proteomics in rice, the use of genetic analysis to assess the general combining ability (GCA) and specific combining ability (SCA) in promising hybrids of maize, the use of DNA markers based on PCR in rice, the identification of quantitative trait loci (QTLs) in wheat and simple sequence repeats (SSR) in rice, the use of single-nucleotide polymorphisms (SNP) in a genome-wide association study (GWAS) in cereals, and Nanopore direct RNA sequencing of related with LTR RNA retrotransposon in triticale prior to the genomic selection of heterotic maize hybrids.