

1. Record Nr.	UNINA990004093060403321
Autore	Seghers, Anna <1900-1983>
Titolo	Transit : Roman / Anna Seghers
Pubbl/distr/stampa	Darmstadt : Luchterhand, 1988
ISBN	3-630-61263-6
Edizione	[14. Aufl.]
Descrizione fisica	332 p. ; 18 cm
Collana	Sammlung Luchterhand ; 263
Disciplina	833.91
Locazione	FLFBC
Collocazione	833.91 SEGH 6(1)
Lingua di pubblicazione	Tedesco
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia

2. Record Nr.	UNISALENT0991000123819707536
Autore	Ciliberto, Michele
Titolo	La ruota del tempo. Interpretazione di Giordano Bruno / Michele Ciliberto
Pubbl/distr/stampa	Roma : Editori Riuniti, c1992
ISBN	8835935563
Descrizione fisica	245 p. ; 22 cm.
Collana	I Testi
Soggetti	TEMPO
Lingua di pubblicazione	Italiano
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia
3. Record Nr.	UNISALENT0991002703169707536
Autore	Mocciaro, Antonia G.
Titolo	L'Europa linguistica : contatti, contrasti, affinità di lingue : atti deL 21. Congresso Internazionale di Studi : Catania, 10-12 settembre, 1987 / a cura di Antonia G. Mocciaro e Giulio Soravia
Pubbl/distr/stampa	Roma : M. Bulzoni, 1992
ISBN	8871194154
Descrizione fisica	320 p. ; 21 cm.
Collana	Società di linguistica italiana ; 30
Altri autori (Persone)	Soravia, Giulio
Soggetti	Catania Congressi - Lingue 1987
Lingua di pubblicazione	Italiano
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia

4. Record Nr.	UNINA9910557363803321
Autore	Loskutov Igor G
Titolo	Advances in Cereal Crops Breeding
Pubbl/distr/stampa	Basel, Switzerland, : MDPI - Multidisciplinary Digital Publishing Institute, 2021
Descrizione fisica	1 online resource (196 p.)
Soggetti	Research & information: general
Lingua di pubblicazione	Inglese
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia
Sommario/riassunto	<p>This Special Issue on 'Advances in Cereal Crops Breeding' comprises 10 papers covering a wide range of subjects, including the expression-level investigation of genes in terms of salinity stress adaptations and their relationships with proteomics in rice, the use of genetic analysis to assess the general combining ability (GCA) and specific combining ability (SCA) in promising hybrids of maize, the use of DNA markers based on PCR in rice, the identification of quantitative trait loci (QTLs) in wheat and simple sequence repeats (SSR) in rice, the use of single-nucleotide polymorphisms (SNP) in a genome-wide association study (GWAS) in cereals, and Nanopore direct RNA sequencing of related with LTR RNA retrotransposon in triticale prior to the genomic selection of heterotic maize hybrids.</p>