

1. Record Nr.	UNISA996571860703316
Autore	Hansen Klaus P.
Titolo	Das Paradigma Kollektiv : Neue Einsichten in Vergesellschaftung und das Wesen des Sozialen // Klaus P. Hansen
Pubbl/distr/stampa	Bielefeld : , : transcript Verlag, , [2022] ©2022
ISBN	3-8394-5596-0
Edizione	[1st ed.]
Descrizione fisica	1 online resource (180 p.)
Collana	Kultur und Kollektiv ; ; 7
Disciplina	301
Soggetti	SOCIAL SCIENCE / Popular Culture
Lingua di pubblicazione	Tedesco
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia
Nota di contenuto	Frontmatter -- Inhalt -- Vorbemerkung -- Einleitung: Kultur und Kollektiv als Bedingungen des Konstruktivismus -- 1. Kollektivkomponenten -- 2. Pankollektive Kontaktverbände -- 3. Segmentierungen und Polykollektivität -- 4. Interkollektive Kohäsion -- 5. Schlussbetrachtung: Kleinteiligkeit und strukturlose Kohäsion -- Literaturverzeichnis -- Register
Sommario/riassunto	Ob Interessen und Religionszugehörigkeiten, kulturelle oder biologische Merkmale - es überrascht, wie vielen Kollektiven man angehört. Formen der Kollektivität entstehen dabei aus der Dynamik von Abgrenzung und Identifizierung zwischen verschiedenen Personen aufgrund dieser Zugehörigkeiten. Klaus P. Hansen stellt die Grundlegung eines kollektivwissenschaftlichen Paradigmas vor und betrachtet das Spannungsfeld zwischen homogenen Kultur- und Heterogenität zulassenden Kollektivbegriff. Hier findet sich die Idee des »Kollektiv-im-Kollektiv« wieder, die sich in Begriffen wie Multi-, Poly- und Pankollektivität verfeinert und neue Einsichten in Vergesellschaftung und das Wesen des Sozialen eröffnet.

2. Record Nr.	UNINA9910337951003321
Titolo	Activity-Based Protein Profiling // edited by Benjamin F. Cravatt, Ku-Lung Hsu, Eranthie Weerapana
Pubbl/distr/stampa	Cham : , : Springer International Publishing : , : Imprint : Springer , 2019
ISBN	3-030-11143-1
Edizione	[1st ed. 2019.]
Descrizione fisica	1 online resource (420 pages)
Collana	Current Topics in Microbiology and Immunology, , 0070-217X ; ; 420
Disciplina	572.6
Soggetti	Immunology Medical microbiology Virology Medical Microbiology
Lingua di pubblicazione	Inglese
Formato	Materiale a stampa
Livello bibliografico	Monografia
Nota di contenuto	Activity-based protein proling – enabling multimodal functional studies of microbial communities -- Activity-Based Protein Proling Methods to Study Bacteria: The Power of Small-Molecule Electrophiles -- Opportunities and Challenges in Activity-Based Protein Proling of Mycobacteria -- Activity-Based Protein Proling at the Host–Pathogen Interface -- Chemical Proteomic Proling of Protein Fatty-Acylation in Microbial Pathogens -- How to Target Viral and Bacterial Effector Proteins Interfering with Ubiquitin Signaling -- ABPP and Host–Virus Interactions -- Activity-Based Protein Proling for the Study of Parasite Biology -- Deciphering T Cell Immunometabolism with Activity-Based Protein Proling -- Small-Molecule Inhibitors of PARPs: From Tools for Investigating ADP-Ribosylation to Therapeutics -- Development of Activity-Based Proteomic Probes for Protein Citrullination -- Recent Advances in Activity-Based Protein Proling of Proteases -- Opportunities for Lipid-Based Probes in the Field of Immunology -- Activity-Based Protein Proling of Non-ribosomal Peptide Synthetases -- Target Identification of Bioactive Covalently Acting Natural Products -- Applications of Reactive Cysteine Proling.
Sommario/riassunto	This volume provides a collection of contemporary perspectives on using activity-based protein profiling (ABPP) for biological discoveries

in protein science, microbiology, and immunology. A common theme throughout is the special utility of ABPP to interrogate protein function and small-molecule interactions on a global scale in native biological systems. Each chapter showcases distinct advantages of ABPP applied to diverse protein classes and biological systems. As such, the book offers readers valuable insights into the basic principles of ABPP technology and how to apply this approach to biological questions ranging from the study of post-translational modifications to targeting bacterial effectors in host-pathogen interactions.

---